

**Carlo Massimo Pozzi**



Dipartimento di Scienze Agrarie e Ambientali, Università degli Studi di Milano, via  
Celoria 2, 20133 Milano

Tel. 02 503116568

cell: 0039 3495951512

[carlo.massimo.pozzi@gmail.com](mailto:carlo.massimo.pozzi@gmail.com)

[linkedin](#)

[ResearchGate](#)

## **Esperienza professionale**

<b>Date e ruoli</b>	<b>Principali raggiungimenti</b>
<b>Febbraio 2015- presente</b>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Professore associato, Università degli Studi di Milano, Dipartimento di Scienze Agrarie e Ambientali DISAA</li> <li>• Corsi di "Ingegneria cellulare"; "Miglioramento genetico vegetale"; "Genetica della vite"; "Project management in ambito scientifico"; "Genomica"</li> </ul>
<b>Agosto 2011- Febbraio 2015</b>  <b>Program Manager – Fondazione Edmund Mach San Michele All’Adige</b>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Program manager presso Fondazione E. Mach;</li> <li>• Ha gestito un programma di attività condotte in melo ed altri piccoli frutti.</li> </ul>
<b>Gennaio 2012- Dicembre 2013</b>  <b>Capo della Area di Supporto alla Ricerca – Fondazione Edmund Mach San Michele All’Adige</b>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Ha gestito e supervisionato un team di 22 persone con l’obiettivo di ottimizzare la gestione amministrativa di un centro di ricerca di 500 addetti.</li> </ul>
<b>Dicembre 2007- Maggio 2011</b>  <b>Staff Scientist, Philip Morris Int. Neuchatel, Svizzera</b>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Ha gestito e supervisionato un team di 4 scienziati, producendo progetti di selezione genetica molecolare in tabacco.</li> </ul>
<b>Marzo 2006- Dicembre 2007</b>  <b>Co fondatore e coordinatore della Iniziativa Europea sulle Rosaceae (ERGI)</b>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Ha fondato e promosso la attività di coordinamento internazionale e lobbying risultante in progetti europei e nel finanziamento del progetto di sequenziamento del genoma del pesco.</li> </ul>
<b>2004-2007</b>  <b>Co-fondatore del consorzio nazionale per la genomica del pesco (ESTree)</b>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Ha promosso il coordinamento nazionale delle attività di genetica molecolare in pesco risultante nella partecipazione italiana al progetto di sequenziamento del genoma del pesco.</li> </ul>

<p><b>Ottobre 2000- Dicembre 2007</b></p> <p><b>Capo gruppo presso Fondazione Parco Tecnologico Padano, Lodi</b></p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Ha gestito e supervisionato team di scienziati (fino a 10) in progetti di biologia e genetica molecolare per varie specie di interesse agrario (pesco, orzo) e in progetti per la produzione di molecole di uso farmaceutico in pianta</li> <li>• Ha gestito molti progetti in collaborazione con l'Università di Milano (PRIN, COFIN, FIRB, FISR)</li> </ul>
<p><b>Ottobre 2002-2005</b></p> <p><b>Consulenze scientifico per ISTA SrL (Dompè Pharmaceuticals Group)</b></p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Ha gestito un progetto per la produzione di molecole di uso farmaceutico in pianta, risultanti in un brevetto</li> </ul>
<p><b>Marzo-Novembre 2002</b></p> <p><b>Coordinatore didattico</b></p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Ha coordinato ed insegnato nel corso per insegnanti di Scuole Medie Superiori nell'ambito FSE (Obj.3C1, contract no. 20204) per l'aggiornamento delle conoscenze in biotecnologie</li> </ul>
<p><b>Febbraio 2001-2005</b></p> <p><b>Consulente scientifico per l'Ente Nazionale Sementi Elette (ENSE)</b></p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Ha prestato consulenza nella realizzazione del laboratorio di biologia molecolare dell'ENSE</li> </ul>
<p><b>Marzo 1999- Dicembre 1999</b></p> <p><b>Post-Doc al Max- Planck Inst. fuer Zuechtungsforschung (MPIZ)</b></p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Ha condotto attività di ricerca in orzo</li> </ul>
<p><b>Giugno-Luglio 1998</b></p> <p><b>Visiting scientist presso SIU University (Carbondale, SI, USA).</b></p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Ha condotto attività di ricerca in orzo</li> </ul>
<p><b>Marzo 1995- Febbraio 1999</b></p> <p><b>Ph.D, Max-Planck Inst. (MPIZ)</b></p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Ha sviluppato attività di ricerca in orzo, sotto la guida del Prof. F. Salamini</li> </ul>
<p><b>Novembre 1993 - Marzo 1995</b></p> <p><b>Tesi di laurea</b></p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Ha condotta attività di ricerca per il conseguimento della Laurea in Scienze agrarie presso l'istituto Max-Planck di Colonia, Germania</li> </ul>

## **ESPERIENZA DIDATTICA**

- Anno accademico 2014-2016 Professore presso corso CNR su uso e riciclo delle biomasse, modulo di Project Management
- Anno accademico 2014-2015 Professore presso Summer School, Università di Milano
- Anno accademico 2014-2017 **Professore** presso l'Università di Milano (17 crediti/anno)
- Anni accademici 2008 - 2009 **Professore presso la scuola di Dottorato dell'Università di Milano**
- Anni accademici 2004-2007 **Professore a contratto presso l'Università di Milano, Scienze Agrarie (6 crediti/anno)**
- Anni accademici 2002-2006 **Professore a contratto presso l'Università di Milano, Scienze Agrarie, 5 crediti/anno**

## **TITOLI ACCADEMICI**

Febbraio 2015

**Professore Associato AGR07, presso UNIMI**

2013 Novembre- Aprile 2014

**Project Management Professional [PMP](#)**

1995- Febbraio 1999

**Ph.D. (Doktorat), Facoltà di Matematica e Scienze Naturali, Università di Colonia, Germania.**

1987 - Marzo 1995

**Laurea, Facoltà di Scienze Agrarie, Università di Milano.**

## Allegato

### PUBBLICAZIONI

1. **C. Pozzi** (2017) Plant breeding and next generation sequencing. In *More Food: Road to Survival*; Editors: Roberto Pilu and Giuseppe Gavazzi. eISBN (Online): 978-1-68108-467-1. ISBN (Print): 978-1-68108-468-8. Bentham Science Publishers.
2. **C. Pozzi**, Dispersione pollinica e coesistenza, in *Atti del Convegno «Organismi Geneticamente Modificati (OGM): opportunità e sfide. (2015)»*, ACL 308, Roma, Bardi Edizioni, 2017, pp. 95-109 (ISSN: 0391-805X)
3. Miglioramento genetico delle leguminose da granella. **C. Pozzi** (2017). In: *Atti del Seminario sulle Leguminose da Granella*. Sala Dei Cavalieri, S.A. Lodigiano. ISBN: 9788890973536.
4. Candidate gene and reverse genetics approaches for the analysis of development in barley / S. Ciannamea, M. Osnato, E. Miatton, F. Salamini, A. Druka, D. Meynard, E. Guiderdoni, **C. Pozzi**, L. Rossini - In: *Proceedings of the 10th International Barley Genetics Symposium, 5-10 April 2008, Alexandria, Egypt* / [a cura di] S. Ceccarelli, S. Grandó. - Aleppo: International Center for Agricultural Research in the Dry Areas (ICARDA), 2010. - ISBN 92-9127-246-9. - pp. 142-145 (Intervento presentato al X convegno Barley Genetics Symposium tenutosi a Alexandria nel 2008.
5. The genetic basis of composite spike form in barley and 'Miracle-Wheat'" Naser Poursarebani, Tina Seidensticker, Ravi Koppolu, Corinna Trautewig, Piotr Gawroński, Federica Bini, Geetha Govind, Twan Rutten, Shun Sakuma, Akemi Tagiri, Gizaw M. Wolde, Helmy M. Youssef, Abdulhamit Battal, Stefano Ciannamea, Tiziana Fusca, Helmy M. Youssef, Thomas Nussbaumer, **Carlo Pozzi**, Andreas Börner, et al. *Genetics* 10.1534/genetics.115.176628 (2015)
6. Expression profiling of genes involved in the formation of aroma in two peach genotypes. R. Pirona A. Vecchietti B. Lazzari A. Caprera R. Malinverni C. Consolandi M. Severgnini G. De Bellis G. Chietera L. Rossini **C. Pozzi** *Plant Biology* ISSN 1435-8603m (2013)
7. Genetic dissection of aroma volatile compounds from the essential oil of peach fruit: QTL analysis and identification of candidate genes using dense SNP maps (2012) TGG (DOI 10.1007/s11295-012-0546-z) Iban Eduardo, Giorgiana Chietera, Raul Pirona, Igor A. Pacheco Cruz, Michela Troggo, Elisa Banchi, Daniele Bassi, Laura Rossini, Alberto Vecchietti, **Carlo Pozzi**.

8. Molecular diversity, population structure, and linkage disequilibrium in a worldwide collection of tobacco (*Nicotiana tabacum* L.) germplasm (2012) Agostino Fricano Nicolas Bakaher Marcello D Corvo Pietro Piffanelli Paolo Donini Alessandra Stella, Nikolai V Ivanov and **Carlo Pozzi** *BMC Genetics* 2012, 13:18
9. Osnato Michela, Stile Maria Rosaria, Wang Yamei, Meynard Donaldo, Curiale Serena, Guiderdoni Emmanuel, Liu Yongxiu, Horner David S., Ouwerkerk Pieter B.F., **Pozzi Carlo**, Müller Kai J., Salamini Francesco, Rossini Laura (2010). Cross-Talk between the KNOX and Ethylene Pathway Is Mediated by Intron-Binding Transcription Factors in Barley. *Plant Physiology* 2010, DOI:10.1104/pp.110.161984.
10. Tataranni G., Spada A., Pozzi C. and Bassi D. 2010. *AFLP-based bulk segregant analysis for tagging the slow-ripening trait in peach [Prunus persica (L.) Batsch]*. *Journal of Horticultural Science & Biotechnology* (2010) **85** (1): 78–82.
11. Eudald Illa; Iban Eduardo; Jean Marc Audergon; Francesca Barale; Elisabeth Dirlewanger; Xiongwei Li; Annick Moing; Patrick Lambert; Loick Le Dantec; Zhongshan Gao; Jean-Luc Poëssel; **Carlo Pozzi**; Laura Rossini; Alberto Vecchietti; Pere Arús; Werner Howad. (2010) SATURATING THE PRUNUS (STONE FRUITS) GENOME WITH CANDIDATE GENES FOR FRUIT QUALITY. *Molecular Breeding*, DOI: 10.1007/s11032-010-9518-x
12. Eduardo I, Pacheco I., Chietera G., Bassi D., **Pozzi C.**, Vecchietti A., Rossini L. QTL analysis of fruit quality traits in two peach intraspecific populations and importance of maturity date pleiotropic effect. *Tree Genetics and Genomes*, 2010 DOI 10.1007/s11295-010-0334-6.
13. Kilian B, Özkan H, **Pozzi C**, Salamini F (2009) Domestication of the Triticeae in the Fertile Crescent. In: Feuillet C, Muehlbauer GJ, editors. *Genetics and Genomics of the Triticeae*. *Plant Genetics and Genomics: Crops and Models 7*, Springer Science+Business Media, LLC, New York, pp. 81-119.
14. Feinan Wu, Nancy T. Eannetta, Yimin Xu, Jörg Plieske, Martin Ganai, **Carlo Pozzi**, Nicolas Bakaher, Steven D. Tanksley (2009) COSII genetic maps of two diploid *Nicotiana* species provide a detailed picture of synteny with tomato and insights into chromosome evolution in tetraploid *N. tabacum*-TAG DOI: [10.1007/s00122-009-1206-z](https://doi.org/10.1007/s00122-009-1206-z)
15. **Carlo Pozzi** and Alberto Vecchietti (2009) Peach structural genomics. In: *Genetics and genomics of Rosaceae*. Eds. K. Folda and S. Gardiner. (Springer-Verlag New York; ISBN: 0387774904).
16. **Carlo Pozzi** and Francesco Salamini (2008) Genomics of wheat domestication. In *Cereal Genomics* (Gupta et al., eds.) Springer ISBN-10: 1402023588.
17. Barbara Lazzari, Andrea Caprera, Alberto Vecchietti, Ivan Merelli, Francesca Barale, Luciano Milanesi, Alessandra Stella, **Carlo Pozzi**. (2008) Version VI of the ESTree db: an improved tool for peach transcriptome analysis. *BMC Bioinformatics* 9 (SUPPL. 2), art. no. S9



18. Vecchietti, B. Lazzari, C. Ortugno, F. Bianchi, R. Malinverni, A. Caprera, I. Mignani, **C. Pozzi** (2009) Comparative analysis of expressed sequence tags from tissues in ripening stages of peach (*Prunus persica* L. Batsch). [Tree Genetics & Genomes](#) (5), 377-391.
19. Giovanni Della Porta, Davide Ederle, Luca Bucchini, Matteo Prandi, Alberto Verderi, **Carlo Pozzi** (2008) Maize pollen mediated gene flow in the Po valley (Italy): source-recipient distance and effect of flowering time *European Journal of Agronomy* 28 (3), pp. 255-265
20. L. Rossini, **C. Pozzi**, and F. Salamini (2006) Varietà OGM e sostenibilità ambientale in agricoltura. In: *Biotechnologie e produzione vegetale*. Ed. Accademia Nazionale dei Lincei, Roma.
21. B Lazzari, A Caprera, A Vecchietti, A Stella, L Milanese, and **C Pozzi** (2005) ESTree db: a Tool for Peach Functional Genomics. *BMC Bioinformatics* 6: S16
22. Laura Rossini, Letizia Nicoloso, Alberto Vecchietti, Andreas Graner, Simona Franzago, Francesco Salamini and **Carlo Pozzi** (2006) A virtual candidate gene approach for the identification of genes involved in plant architecture in barley. *Theor Appl Genet* 112: 1073-1085.
23. H. Özkan, A. Brandolini, **C. Pozzi**, S. Effgen, J. Wunder, F. Salamini (2005) A reconsideration of domestication geography of tetraploid wheats. *Theor Appl Genet* 110: 1052-1060
24. Development of an oligo-based microarray ( $\mu$ PEACH 1.0) for genomics studies in peach fruit – *Acta Horticulturae* 682: 263-268
25. ESTree Consortium (F. Barale, D. Bassi, F. Bianchi, C. Bonghi, G. Casadoro, M. G. Cipriani, A. Cocucci, B. Lazzari, M.T. Marrazzo, **C. Pozzi**, A. Rasori, A. Ramina, P. Tonutti, L. Trainotti, D. A Vecchietti, A Zanin)
26. **C. Pozzi**, L. Rossini, A. Vecchietti, F. Salamini (2004) Gene and genome changes during domestication of cereals. In *Cereal Genomics*, eds. Gupta, P.K.; Varshney, R.K. (Hrsg.), Kluwer Pub.
27. Roig C\*, **Pozzi C\***, Santi L, Muller J, Wang J, Stile MR, Rossini L, Stanca M, Salamini F (2004) Genetics of barley Hooded suppression. *Genetics* 167: 439–448 Both authors made equal contribution to this work
28. **Pozzi C**, Rossini L, Santi L, Stile MR, Nicoloso L, Barale F, Vandoni D, Decimo I, Roig C, Faccioli P, Terzi V, Wang J, Salamini F (2004) Molecular genetics of barley development: from genetics to genomics. In *Eucarpia - From Biodiversity to genomics*. Mar, Faccioli and Stanca Eds.
29. **Pozzi C.**, Di Pietro D., Halas G., Roig C., Salamini F. (2003) Integration of a barley (*Hordeum vulgare*) molecular linkage map with the position of genetic loci hosting 29 developmental mutants. *Heredity* 90(5):390-396.
30. Santi L., Wang Y., Stile MR., Berentzen K, Wanke D., Roig C., **Pozzi C.**, Muller K., Muller J., Rohde W., Salamini F. (2003) The GA octodinucleotide repeat binding factor BBR participates to the transcriptional regulation of selected plant homeobox genes. *Plant Journal* 34: 813-126.

31. Grando S., Bellin D., Edwards K.J., **Pozzi C.**, Velasco R.. (2003) Molecular linkage maps of *Vitis Vinifera* L. and *Vitis Riparia* Mchx. *Theor Appl Genet* 106: 1213-1224.
32. **Pozzi C.** (2002) Maize and barley: model systems for studies on leaf development. *Maydica* 47: 245-251.
33. **Pozzi C.**, Rossini L., Agosti F. (2001) Patterns and symmetries in leaf development. *Cell & Dev. Biol.* 12: 363-372.
34. Muller J, Muller K, **Pozzi C**, Santi L, Wang Y, Salamini F, Rohde W (2000) Networking around the barley Hooded locus: molecular analysis of potential partners for epiphyllous flower formation. *Barley Genetics VIII.* 114-116.
35. Muller KJ, **Pozzi C**, Muller J, Salamini F; Rohde W (2000) Molecular analysis of homeotic genes involved in barley development. *Eur. J. Physiol (Suppl.)* R14-18.
36. Muller K, **Pozzi C**, Muller J, Salamini F, Rohde W. (2000) Molecular analysis of homeotic genes involved in barley development. *Pflugers Arch.*;439(3 Suppl): R14-5.
37. **Pozzi C.** and L. Rossini (2000) Foglie ed ali. *Le Scienze* (Italian edition of Scientific American), December 2000 issue. (re-edited in the march 2002 edition of "Quaderni di Le Scienze").
38. Schmitz J., R. Franzen, T.-H. Nguyen, F. Garcia-Maroto, **C. Pozzi**, F. Salamini, W. Rohde (2000) Cloning, mapping and expression analysis of barley MADS-box genes. *Pl. Mol. Biol.* 42: 899-913.
39. Badr A., K. J. Müller, R. Schäfer-Pregl, H. El Rabey, S. Effgen, H.H. Ibrahim, **C. Pozzi**, W. Rohde, F. Salamini (2000) On the origin and domestication history of barley (*H. vulgare*). *Mol. Biol. Evolution*, 17: 499-510.
40. **Pozzi C.**, P. Faccioli, V. Terzi, M. Stanca, S. Cerioli, P. Castiglioni, R. Fink, R. Capone, K.J. Müller, G: Bossinger, W. Rohde, F. Salamini (2000) Genetics of mutations affecting the development of a barley floral bract. *Genetics* 154: 1335-1346.
41. **Pozzi C.**, Müller K.J., Rohde W. and Salamini F (1999) Leaf development, pp. 145-165. In: *Development* (ed. V. Russo *et al.*). Berlin: Springer Verlag.
42. Castiglioni P.°, **C. Pozzi**°, M. Heun, V. Terzi, K.J. Müller, W. Rohde, F. Salamini (1998) An AFLP-based procedure for the efficient mapping of mutants and DNA probes in barley. *Genetics* 149: 2039-2056. °both authors made equal contribution to this work.
43. K. Müller, **C. Pozzi**, F. Salamini, W. Rhode (1995) Homeotic gene expression and plant development. *Med. Fac. Landbouww. Univ. Gent*, 60/4a.

44. K.J. Müller, N. Romano, O. Gerstner, F.Garcia-Maroto, C. Pozzi, F. Salamini, W. Rohde (1995) The barley *Hooded* mutation caused by a duplication in a homeobox gene intron. *Nature*, 374: 727-730.

### Web sites

The National Rosaceae genomics web site: [www.itb.cnr.it/ESTree](http://www.itb.cnr.it/ESTree)

Biodidactic: <http://www.itisvolta.it/biodidactic/>

### BREVETTI

1. *Produzione di proteine da pesce usate nella produzione di composti enantiomerici puri*  
Inventori: Vecchietti Alberto, Claudia Ortugno, Carlo Pozzi  
Titolare: Fondazione PTP  
Tipo di brevetto: italiano, deposito n. RM2008A508 del 23/09/2008.  
Estensione PCT del 09 giugno 2009 n. PCT/IB2009/052443  
Scadenza per l'entrata nelle fasi nazionali: marzo 2011.
2. *Produzione di NGF (Nerve Growth Factor) impiegando piante GM di tabacco*  
Inventori: Galba et al.  
Titolari: Fondazione PTP  
Tipo di brevetto: italiano, deposito n. RM2008A000517 del 30 settembre 2008.  
Estensione PCT del 02 luglio 2009 n. PCT/IB2009/052877  
Scadenza per l'entrata nelle fasi nazionali: marzo 2011.
3. *Nuovo metodo per la diagnostica di eventi OGM*  
Inventori: Colombi et al.  
Titolari: Fondazione PTP  
Tipo di brevetto: italiano, deposito n. RM2008A000673 del 17 dicembre 2008.  
Estensione PCT del 08 luglio 2009 n. PCT/IB2009/052962  
Scadenza per l'entrata nelle fasi nazionali: marzo 2011
4. Method in heterologous proteins expression in plants (general title to protect confidential informations)  
Contributors: Irfan Gunduz, Nikolai Ivanov, Florian Martin, Carlo Pozzi, Nicolas Sierro & Dion Florack (Philip Morris Intl).
5. Method in heterologous proteins expression in plants (2; general title to protect confidential informations)  
Contributors: Irfan Gunduz, Nikolai Ivanov, Florian Martin, Carlo Pozzi, Nicolas Sierro & Dion Florack. Philip Morris Intl.