

INFORMAZIONI PERSONALI

Gabriella De Lorenzis

✉ gabriella.delorenzis@unimi.it

🌐 <http://www.unimi.it/chiedove/schedaPersonaXML.jsp?matricola=52303&pTab=1>

Sesso Femminile | Data di nascita 17/12/1981 | Nazionalità Italiana

ESPERIENZA PROFESSIONALE

Dicembre 2021 -

Professore associato

Università degli studi di Milano, Dipartimento di Scienze Agrarie ed Ambientali, via Celoria 2, 20133, Milano (IT). Settore Scientifico Disciplinare 07/B2.

- Attività didattica: Corso di “Miglioramento genetico vegetale in vitro” per gli studenti della laurea triennale di Biotecnologia; corso di “Biologia e genetica della vite” per gli studenti della laurea triennale in Viticoltura ed Enologia; corso di “Woody plant biotechnology” per gli studenti della laurea magistrale in Scienze della Produzione e Protezione delle Piante.
- Attività di ricerca: Studio della variabilità genetica del germoplasma di vite, melo e pero. Uso del genome editing per l’identificazione di geni per la resistenza a stress idrico e Plasmopara viticola in vite. Sviluppo di soluzioni alternative all’utilizzo degli agrofarmaci, come VOCs e dsRNA, in vite.

Dicembre 2018 - Dicembre 2021

Ricercatore a tempo determinato (tipo B)

Università degli studi di Milano, Dipartimento di Scienze Agrarie ed Ambientali, via Celoria 2, 20133, Milano (IT). Settore Scientifico Disciplinare 07/B2.

- Attività didattica: Corso di “Miglioramento genetico vegetale in vitro” per gli studenti della laurea triennale di Biotecnologia (K06).
- Attività di ricerca: Utilizzo e sviluppo di marcatori molecolari per la caratterizzazione varietale in vite. Uso del genome editing per l’identificazione di geni per la resistenza a stress idrico e Plasmopara viticola in vite.

Febbraio 2017 - Dicembre 2018

Ricercatore a tempo determinato (tipo A)

Università degli studi di Milano, Dipartimento di Scienze Agrarie ed Ambientali, via Celoria 2, 20133, Milano (IT). Settore Scientifico Disciplinare 07/B2.

- Attività didattica: Corso di “Miglioramento genetico vegetale in vitro” per gli studenti della laurea triennale di Biotecnologia (K06).
- Attività di ricerca: Utilizzo e sviluppo di marcatori molecolari per la caratterizzazione varietale in vite. Uso del genome editing per l’identificazione di geni per la resistenza a stress idrico e Plasmopara viticola in vite.

Febbraio 2015 - gennaio 2017

Assegnista di ricerca (tipo B)

Università degli studi di Milano, Dipartimento di Scienze Agrarie ed Ambientali, via Celoria 2, 20133, Milano (IT)

- Attività di ricerca: Caratterizzazione del processo di interazione ospite-patogeno in varietà di vite resistenti a Plasmopara viticola; Identificazione delle vie biosintetiche coinvolte nel processo di resistenza allo stress idrico in portainnesti di vite.

Dicembre 2009 - gennaio 2015

Assegnista di ricerca (tipo B)

Università degli studi di Milano, Dipartimento di Scienze Agrarie ed Ambientali, via Celoria 2, 20133 Milano (IT)

- Attività di ricerca: Utilizzo e sviluppo di marcatori molecolari per la caratterizzazione varietale in vite.

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Dicembre 2023 - Dicembre 2024	Abilitazione Scientifica Nazionale (ASN) Settore concorsuale 07/B2 - Scienze e tecnologie dei sistemi arborei e forestali, prima fascia	
Gennaio 2006 - Dicembre 2009	Dottore di ricerca in Scienze delle produzioni vegetali eco-compatibili Università di Pisa, Facoltà di Agraria, via del Borghetto 80, 56124 Pisa (IT) ▪ Identificazione dei composti aromatici sintetizzati nella bacca di vite e studio della via biosintetica.	Livello QEQ 8
Dicembre 2003 - Ottobre 2005	Laurea Magistrale in Biotecnologie vegetali e microbiche Università di Pisa, Facoltà di Agraria, via del Borghetto 80, 56124 Pisa (IT)	Livello QEQ 7
Settembre 2000 - Dicembre 2003	Laurea triennale in Biotecnologie agroambientali Università di Pisa, Facoltà di Agraria, via del Borghetto 80, 56124 Pisa (IT)	Livello QEQ 6
Settembre 1995 - Luglio 2000	Diploma di maturità scientifica Liceo Scientifico Statale G. C. Vanini Casarano, via Reno 34, 73042 Casarano (LE)	Livello QEQ 4

COMPETENZE PERSONALI

Lingua madre Italiano

Altre lingue

	COMPRESIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
	Ascolto	Lettura	Interazione	Produzione orale	
Inglese	B2	B2	B2	B2	B2

Competenze comunicative Buone competenze comunicative acquisite durante la mia esperienza di insegnamento universitario e di relatore a convegni nazionali ed internazionali.

Competenze organizzative e gestionali Relatore di tesi per studenti universitari di laurea di primo livello e magistrale dell'Università degli Studi di Milano, e tutor di dottorandi del Corso di dottorato Agricoltura Ambiente Bioenergia dell'Università degli Studi di Milano.

Competenze professionali Conoscenza e applicazione delle tecniche di biochimica, biologia molecolare e bioinformatiche per la determinazione dei metaboliti secondari (antociani e terpeni), per gli studi di genetica di popolazione (basati sulla genotipizzazione con marcatori molecolari quali AFLP, IRAP, REMAP, I-SSR, SSR, SNP and SSAP), espressione genica (real-time RT PCR e RNA-seq), editing genomico, colture in vitro, assemblaggio di genomi e trascrittomi.
Elenco dei principali protocolli conosciuti: sequenziamento di frammenti, elettroforesi di DNA su gel d'agarosio, estrazione di acidi nucleici (DNA ed RNA), reazione a catena della polimerasi (PCR), sintesi del cDNA, real-time RT PCR, analisi di microarrays, sequenziamento di genomi e trascrittomi via NGS, purificazione del DNA, clonaggio, estrazione ed identificazione degli antociani tramite HPLC, estrazione ed identificazione dei terpeni (SPE, SPME GC-MS), Panning cycle, test ELISA, minipreparazioni di DNA plasmidico, colture cellulari, colture in vitro di germogli.
Elenco dei principali software utilizzati: R, Cohort, SPSS, SAS, Blast, ClastalW, Oligo 3, Primer 3, Bowtie 2; GeneScan, PHYLIP package, Microsat, Identity, GenALex, Mega, BioEdit, Coancestry, Convert, Winboot, NTSYS, POPGENE, TFPGA, ML-Relate, Coancestry, Structure, fastStructure, DnaSP.

Competenze digitali

AUTOVALUTAZIONE				
Elaborazione delle informazioni	Comunicazione	Creazione di Contenuti	Sicurezza	Risoluzione di problemi

Utente avanzato	Utente avanzato	Utente avanzato	Utente avanzato	Utente avanzato
-----------------	-----------------	-----------------	-----------------	-----------------

Buona padronanza del pacchetto Office e dei programmi di statistici per elaborazione dei dati (R, SPSS).

Patente di guida Categoria B

ULTERIORI INFORMAZIONI

Publicazioni

Bitsadze, N., Kikilashvili, S., Chipashvili, R. et al. 2024. Resistance to downy mildew in wildy growing Eurasian *Vitis vinifera* L. grapevines. *J. Plant Pathol.*, 106:1759-1771.

Monteiro, E., De Lorenzis, G., Ricciardi, V., Baltazar, M., Pereira, S., Correia, S., Ferreira, H., Alves, F., Cortez, I., Gonçalves, B., et al. 2024. Exploring Seaweed and Glycine Betaine Biostimulants for Enhanced Phenolic Content, Antioxidant Properties, and Gene Expression of *Vitis vinifera* cv. "Touriga Franca" Berries. *Int. J. Mol. Sci.*, 25:5335.

Ricciardi, V., Crespan, M., Maddalena, G., Migliaro, D., Brancadoro, L., Maghradze, D., Failla, O., Toffolatti, S.L., De Lorenzis, G. 2024. Novel loci associated with resistance to downy and powdery mildew in grapevine. *Front. Plant Sci.*, 15:1386225.

Kikvadze, M., Kikilashvili, S., Bitsadze, N., Maghradze, T., De Lorenzis, G., Rubio, R.O, Rivera, D., Bacilieri, R., Failla, O., Maghradze, D. 2024. Wildly growing Eurasian grapevine (*Vitis vinifera* L.) in Georgia: composition, research and efforts for the preservation. *Acta Hortic.*, 1385:19-24.

De Lorenzis, G. 2024. From ancient to modern grapevine cultivars: a lesson from cultivars that made the history of viticulture. *Acta Hortic.*, 1385:47-58.

Crespan, M., Mercati, F., De Lorenzis, G., D'Onofrio, C., Sunseri, F. 2023. Two main distinct evolutionary stories describe the Italian grapevine assortment. *Vitis*, 62:30-36.

Mazzoni, L., Amaya, I., De Lorenzis, G., Mininni, A.N., 2023. Editorial: Emerging approaches for enhancing nutritional quality of berries. *Front. Plant Sci.* 14:1227185.

Dong, Y., et al. 2023. Dual domestications and origin of traits in grapevine evolution. *Science* 379, 892-901.

Catarcione, G., Paolacci, A.R., Alicandri, E., Gramiccia, E., Taviani, P., Rea, R., Costanza, M.T., De Lorenzis, G., Puccio, G., Mercati, F., et al. 2023. Genetic Diversity and Population Structure of Common Bean (*Phaseolus vulgaris* L.) Landraces in the Lazio Region of Italy. *Plants*, 12, 744.

Bianchi, D., Ricciardi, V., Pozzoli, C., Grossi, D., Caramanico, L., Pindo, M., Stefani, E., Cestaro, A., Brancadoro, L., De Lorenzis, G. 2023. Physiological and Transcriptomic Evaluation of Drought Effect on Own-Rooted and Grafted Grapevine Rootstock (1103P and 101-14MGt). *Plants*, 12, 1080.

Marcianò, D., Ricciardi, V., Maddalena, G., Massafra, A., Marone Fassolo, E., Masiero, S., Bianco, P.A., Failla, O., De Lorenzis, G., Toffolatti, S.L. 2023. Influence of Nitrogen on Grapevine Susceptibility to Downy Mildew. *Plants*, 12:263.

De Lorenzis, G., Carbonell-Bejerano, P., Toffolatti, S.L. Tello, J.. 2022. Editorial: Advances in grapevine genetic improvement: Towards high quality, sustainable grape production. *Front. Plant Sci.*, 3:1080733.

Ricciardi, V., Marcianò, D., Sargolzaei, M., Marrone Fassolo, E., Fracassetti, D., Brillì, M., Moser, M., Shariati V.J., Tavakole, E., Maddalena, G., Passera, A., Casati, P., Pindo, M., Cestaro, A., Costa, A., Bonza, M.C., Maghradze, D., Tirelli, A., Failla, O., Bianco, P.A., Quagliano, F., Toffolatti, S.L., De Lorenzis, G. 2022. Dissecting the susceptibility/resistance mechanism of *Vitis vinifera* for the future control of downy mildew. *BIO Web of Conferences*, 44:04002.

Dinu, D.G., Ricciardi, V., Demarco, C., Zingarofalo, G., De Lorenzis, G., Buccolieri, R., Cola, G.,

Rustioni, L. 2021. Climate change impacts on plant phenology: grapevine (*Vitis vinifera*) bud break in wintertime in Southern Italy. *Foods*, 10:2769.

Mercati, F., De Lorenzis, G., Mauceri, A., Zerbo, M., Brancadoro, L., D'Onofrio, C., Morcia, C., Barbagallo, M.G., Bignami, C., Gardiman, M., de Palma, L., Ruffa, P., Novello, V., Crespan, M., Sunseri, F. 2021. Integrated Bayesian Approaches Shed Light on the Dissemination Routes of the Eurasian Grapevine Germplasm. *Frontiers in Plant Science*, 12:692661.

Marcianò, D., Ricciardi, V., Marone Fassolo, E., Passera, A., Bianco, P.A., Failla, O., Casati, P., Maddalena, G., De Lorenzis, G., Toffolatti, S. 2021. RNAi of a Putative Grapevine Susceptibility Gene as a Possible Downy Mildew Control Strategy. *Frontiers in Plant Science*, 12:667319.

Giudice, G., Moffa, L., Varotto, S., Cardone, M.F., Bergamini, C., De Lorenzis, G., Velasco, R., Nerva, L., Chitarra, W. 2021. Novel and emerging biotechnological crop protection approaches. *Plant Biotechnology Journal*, doi: 10.1111/pbi.13605.

Grassi, F., De Lorenzis, G. 2021. Back to the origins: Background and perspectives of grapevine domestication. *International Journal of Molecular Sciences*, 22:4518.

Ricciardi, V., Marcianò, D., Sargolzaei, M., Maddalena, G., Maghradze, D., Tirelli, A., Casati, P., Bianco, P.A., Failla, O., Fracassetti, D., Toffolatti, S.L., De Lorenzis, G. 2021. From plant resistance response to the discovery of antimicrobial compounds: The role of volatile organic compounds (VOCs) in grapevine downy mildew infection. *Plant Physiology and Biochemistry*, 160:294-305.

Sargolzaei, M., Rustioni, L., Cola, G., Ricciardi, V., Bianco, P.A., Maghradze, D., Failla, O., Quaglino, F., Toffolatti, S.L., De Lorenzis, G. 2021. Georgian Grapevine Cultivars: Ancient Biodiversity for Future Viticulture. *Frontiers in Plant Science*, 12:630122.

Sargolzaei, M., Maddalena, G., Bitsadze, N., Maghradze, D., Bianco, P.A., Failla, O., Toffolatti, S.L., De Lorenzis, G. 2020. Rpv29, Rpv30 and Rpv31: Three Novel Genomic Loci Associated With Resistance to *Plasmopara viticola* in *Vitis vinifera*. *Frontiers in Plant Science*, 11:562432.

Bianchi, D., Caramanico, L., Grossi, D., Brancadoro, L., De Lorenzis, G. 2020. How Do Novel M-Rootstock (*Vitis* spp.) Genotypes Cope with Drought? *Plants*, 9:1385.

De Lorenzis, G., Rustioni, L., Pozzi, C., Failla, O. 2020. Disfunctions in the anthocyanin accumulation of *Vitis vinifera* L. varieties studied by a targeted resequencing approach. *Journal of Berry Research*, 10:345-363.

Bianchi, D., Brancadoro, L., De Lorenzis, G. 2020. Genetic Diversity and Population Structure in a *Vitis* spp. Core Collection Investigated by SNP Markers. *Diversity*, 12:103.

Toffolatti, S.L., De Lorenzis, G., Brillì, M., Moser, M., Shariati, V., Tavakol, E., Maddalena, G., Passera, A., Casati, P., Pindo, M., Cestaro, A., Maghradze, D., Failla, O., Bianco, P.A., Quaglino, F. 2020. Novel Aspects on The Interaction Between Grapevine and *Plasmopara viticola*: Dual-RNA-Seq Analysis Highlights Gene Expression Dynamics in The Pathogen and The Plant During The Battle For Infection. *Genes*, 11:261.

Maddalena, G., Delmotte, F., Bianco, P.A., De Lorenzis, G., Toffolatti, S.L. 2020. Genetic structure of Italian population of the grapevine downy mildew agent, *Plasmopara viticola*. *Annals of Applied Biology*, doi.org/10.1111/aab.12567.

Migliaro, D., G. De Lorenzis, G. Simone Di Lorenzo, B. De Nardi, M. Gardiman, O. Failla, L. Brancadoro, M. Crespan. 2019. Grapevine non-*vinifera* genetic diversity assessed by SSR markers as a starting-point for new grapevine rootstocks breeding programs. *American Journal of Enology and Viticulture*, 70:4.

De Lorenzis, G., F. Mercati, C. Bergamini, M.F. Cardone, A. Lupini, A.R. Caputo, L. Abbate, M.G. Barbagallo, D. Antonacci, F. Sunseri, L. Brancadoro. 2019. SNP genotyping elucidates the genetic diversity of Magna Graecia grapevine germplasm and its historical origin and dissemination. *BMC Plant Biology*, 19:7.

- Toffolatti, S.L. & **G. De Lorenzis**, A. Costa, G. Maddalena, A. Passera, M.C. Bonza, M. Pindo, E. Stefani, A. Cestaro, P. Casati, O. Failla, P.A. Bianco, D. Maghradze, F. Quaglino. 2018. Unique resistance traits against downy mildew from the center of origin of grapevine (*Vitis vinifera*). *Scientific reports*, 8:12523.
- Riaz, S. & **G. De Lorenzis**, D. Velasco, A. Koehmstedt, D. Maghradze, Z. Bobokashvili, M. Musayev, G. Zdunic, V. Laucou, M.A. Walker, O. Failla, J.E. Preece, M. Aradhya, R. Arroyo-Garcia. 2018. Genetic diversity analysis of cultivated and wild grapevine (*Vitis vinifera* L.) accessions around the Mediterranean basin and Central Asia. *BMC Plant Biology*, 18:137.
- Dal Santo, S., S. Zenoni, M. Sandri, **G. De Lorenzis**, G. Magris, E. De Paoli, G. Di Gaspero, C. Del Fabbro, M. Morgante, L. Brancadoro, D. Grossi, M. Fasoli, P. Zuccolotto, G. Torielli, M. Pezzotti. 2018. Grapevine field experiments reveal the contribution of genotype, the influence of environment and the effect of their interaction (GxE) on berry transcriptome. *The Plant Journal*, 93:1143-1159.
- Sunseri, F., A. Lupini, A. Mauceri, **G. De Lorenzis**, F. Araniti, L. Brancadoro, A. Dattola, G. Gullo, R. Zappia, F. Mercati. 2018. Single nucleotide polymorphism profiles reveal an admixture genetic structure of grapevine germplasm from Calabria, Italy, uncovering its key role for the diversification of cultivars in the Mediterranean Basin. *Australian Journal of Grape and Wine Research*, 24:345-359.
- Caramanico, L., L. Rustioni, **G. De Lorenzis** 2017. Iron deficiency stimulates anthocyanin accumulation in grapevine apical leaves. *Plant physiology and biochemistry*, 119:286-293.
- De Lorenzis, G.**, M. Squadrito, M. Rossoni, G. Simone Di Lorenzo, L. Brancadoro, A. Scienza. 2017. Study of intra-varietal diversity in biotypes of Aglianico and Muscat of Alexandria (*Vitis vinifera* L.) cultivars. *Australian Journal of Grape and Wine Research*, 23:132-142.
- De Lorenzis, G.**, L. Rustioni, S.G. Parisi, F. Zoli, L. Brancadoro. 2016. Anthocyanin biosynthesis during berry development in Corvina grape. *Scientia Horticulturae*, 212:74-80.
- Lopes Paim Pinto, D., L. Brancadoro, S. Dal Santo, **G. De Lorenzis**, M. Pezzotti, B.C. Meyers, M.E. Pè, E. Mica. 2016. Genotype and Environmental Influences on small RNAs profiles in Grapevine berries. *Frontiers in Plant Science*, 7:1459.
- Prigitano, A., M.C. Esposito, A. Biffi, **G. De Lorenzis**, V. Favuzzi, R. Koncan, G. Lo Cascio, M. Barao Ocampo, C. Colombo, G. Pizzamiglio, L. Romanò, A.M. Tortorano. 2016. Triazole resistance in *Aspergillus fumigatus* isolates from patients with cystic fibrosis in Italy. *Journal of Cystic Fibrosis*, doi: 10.1016/j.jcf.2016.06.006.
- Mercati, F. & **G. De Lorenzis**, L. Brancadoro, A. Lupini, M.R. Abenavoli, M.G. Barbagallo, R. Di Lorenzo, A. Scienza, F. Sunseri. 2016. High-throughput 18K SNP array to assess genetic variability of the main grapevine cultivars from Sicily. *Tree Genetics and Genomes*, 12:59.
- Biagini, B., S. Imazio, A. Scienza, O. Failla, **G. De Lorenzis**. 2016. Renewal of wild grapevine (*Vitis vinifera* L. subsp. *sylvestris* (Gmelin) Hegi) populations through sexual pathway: Some Italian case studies. *Flora*, 219:85-93.
- Lazzarini, C., M.C. Esposito, A. Prigitano, M. Cogliati, **G. De Lorenzis**, A.M. Tortorano. 2016. Azole resistance in *Aspergillus fumigatus* clinical isolates from an Italian culture collection. *Antimicrobial Agents and Chemotherapy*, 60:682-685.
- Rustioni, L. & **G. De Lorenzis**, M. Hârța, O. Failla. 2016. Pink berry grape (*Vitis vinifera* L.) characterization: Reflectance spectroscopy, HPLC and molecular markers. *Plant Physiology and Biochemistry*, 98:138-145.
- De Lorenzis, G.**, R. Chipashvili, O. Failla, D. Maghradze. 2015. Study of genetic variability in *Vitis vinifera* L. germplasm by high-throughput Vitis18kSNP array: the case of Georgian genetic resources. *BMC Plant Biology*, 15:1-14.

- De Lorenzis, G.,** M. Squadrito, L. Brancadoro, A. Scienza. 2015. Zibibbo Nero Characterization, a Red-Wine Grape Revertant of Muscat of Alexandria. *Molecular Biotechnology*. 57:265-274.
- Vigentini, I. & **G. De Lorenzis,** V. Fabrizio, F. Valdetara, M. Faccincani, C.A. Panont, C. Picozzi, S.A. Imazio, O. Failla, R. Foschino. 2015. The vintage effect overcomes the terroir effect: a three years survey on the wine yeast biodiversity in Franciacorta and Oltrepò Pavese, two Northern Italian vine-growing areas. *Microbiology*, 161:362-373.
- De Lorenzis, G.,** D. Maghradze, B. Biagini, G. Simone Di Lorenzo, G. Melyan, M. Musayev, G. Savin, V. Salimov, R. Chipashvili, O. Failla. 2015. Molecular investigation of Caucasian and Eastern European grapevine cultivars (*V. vinifera* L.) by microsatellites. *Vitis*, 54:13-16.
- De Lorenzis, G.,** D. Carrasco, R. Arroyo-Garcia, M. Rossoni, G. Simone Di Lorenzo, O. Failla. 2015. Investigation of VvMybA1 and VvMybA2 berry color genes in Aglianico' biotypes. *Vitis*, 54: 43-44.
- Raimondi, S., P. Ruffa, **G. De Lorenzis,** S. Imazio, S. Fiori, O. Failla, A. Schneider. 2015. Detection of grapevine synonyms in Lombardy and Piedmont regions (northern Italy). *Vitis*, 54:31-36.
- Maul, E., R. Töpfer, F. Carka, V. Cornea, M. Crespan, M. Dallakyan, T. De Andrés Domínguez, **G. De Lorenzis,** L. Dejeu, S. Goryslavets, S. Grando, N. Hovannisyan, M. Hudcovicova, T. Hvarleva, J. Ibáñez, E. Kiss, L. Kocsis, T. Lacombe, V. Laucou, D. Maghradze, E. Maletić, G. Melyan, M. Z. Mihaljević, G. Muñoz-Organero, M. Musayev, A. Nebish, C. F. Popescu, F. Regner, V. Risovanna, S. Ruisa, V. Salimov, G. Savin, A. Schneider, N. Stajner, L. Ujmajuridze, O. Failla. 2015. Identification and characterization of grapevine genetic resources maintained in Eastern European Collections. *Vitis*, 54:5-12.
- Margaryan, K., **G. De Lorenzis,** R. Aroutiounian, O. Failla. 2015. Genetic analysis of the VvMybA1 gene in Armenian grapevines (*V. Vinifera* L.). *Vitis*, 54:49-50.
- Kerekes, A., **G. De Lorenzis,** A. Szóke, E. Kiss, O. Failla. 2015. Analysis of VvMybA1 and VvMybA2 genes in grape bud sports. *Vitis*, 54:45-48.
- Imazio, S., **G. De Lorenzis,** B. Biagini, D. Maghradze, A. Scienza, O. Failla. 2015. *Vitis vinifera* subsp. *sylvestris* and *sativa*; so far, so close: a 20 SSR based comparison of the two taxa. *Vitis*, 54:229-232.
- Carrasco, D. & **G. De Lorenzis,** D. Maghradze, E. Revilla, A. Bellido, O. Failla, R. Arroyo-García. 2015. Allelic variation in the VvMYBA1 and VvMYBA2 domestication genes in natural grapevine populations (*Vitis vinifera* subsp. *sylvestris*). *Plant Systematics and Evolution*. 301: 1613-1624.
- Biagini, B., **G. De Lorenzis,** S. Imazio, O. Failla, A. Scienza. 2014. Italian wild grapevine (*Vitis vinifera* L. subsp. *sylvestris*) population: insights into eco-geographical aspects and genetic structure. *Tree Genetics & Genomes*, 10:1369-1385.
- Prigitano, A., V. Venier, M. Cogliati, **G. De Lorenzis,** M.C. Esposto, A.M. Tortorano. Azole-resistant *Aspergillus fumigatus* in the environment of Northern Italy, May 2011 to June 2012. 2014. *Eurosurveillance*, 19:1-7.
- Foschino, R., **G. De Lorenzis,** V. Fabrizio, C. Picozzi, S. Imazio, O. Failla, I. Vigentini. 2014. Yeast DNA recovery during the secondary fermentation step of Lombardy sparkling wines produced by Champenoise method. *European Food Research and Technology*, 240:885-895.
- De Lorenzis, G.,** S. Imazio, L. Brancadoro, O. Failla, A. Scienza. 2014. Evidence for a Sympatric Origin of Ribolla gialla, Gouais Blanc and Schiava cultivars (*V. vinifera* L.). *South African Journal for Enology and Viticulture*, 35:149-156.
- De Lorenzis, G.,** G. Las Casas, L. Brancadoro, A. Scienza. 2014. Genotyping of Sicilian grapevine germplasm resources (*V. vinifera* L.) and their relationships with Sangiovese. *Scientia Horticulturae*, 169:189-198.

Imazio, S., D. Maghradze, **G. De Lorenzis**, R. Bacilieri, V. Laucou, P. This, A. Scienza, O. Failla. From the cradle of grapevine domestication: molecular overview and description of Georgian grapevine (*Vitis vinifera* L.) germplasm. 2013. *Tree Genetics & Genomes*, 9:641-658.

De Lorenzis, G., S. Imazio, D. Rusjan, J.F. Vouillamoz, N. Nikolaou, O. Failla, A. Scienza. 2013. Genetic investigation of grapevine varieties 'Ribolla Gialla' (Italy), 'Rebula' (Slovenia) and 'Robola' (Ionian Islands). *Scientia Horticulturae*, 150:425-431.

De Lorenzis, G., S. Imazio, B. Biagini, O. Failla, A. Scienza. 2013. Pedigree Reconstruction of the Italian grapevine Aglianico (*Vitis vinifera* L.) from Campania. *Molecular Biotechnology*, 54:634-642.

Vigentini, I., **G. De Lorenzis**, C. Picozzi, S. Imazio, A. Merico, S. Galafassi, J. Piškur, R. Foschino. 2012. Intraspecific variations of *Dekkera/Brettanomyces bruxellensis* genome studied by capillary electrophoresis separation of the intron splice site profiles. *International Journal of Food Microbiology*, 157:6-15.

Castro, I., C. D'Onofrio, J.P. Martín, J.M. Ortiz, **G. De Lorenzis**, V. Ferreira, O. Pinto-Carnide. 2012. Effectiveness of AFLPs and retrotransposon-based markers for the identification of Portuguese grapevine cultivars and clones. *Molecular Biotechnology*, 52:26-39.

D'Onofrio, C., **G. De Lorenzis**, T. Giordani, L. Natali, A. Cavallini, G. Scalabrelli. 2010. Retrotransposon-based molecular markers for grapevine species and cultivars identification. *Tree Genetics & Genomes*, 6: 451-466.

Libri Crepan, M., **G. De Lorenzis**, C. Favaro, S. Imazio, D. Migliaro, J. Nardi, A. Pitacco, A. Scienza. 2015. Alla ricerca delle vecchie viti a Venezia e laguna. In Favaro, C. (Ed.), "Il Vino Nella Storia Di Venezia. Vigneti e cantine nelle terre dei Dogi tra XIII e XXI secolo", (pp. 152-169), Cattadella: BIBLIOS EDIZIONI.

Brancadoro, L., **G. De Lorenzis**. 2014. Caratterizzazione genetico-molecolare della piattaforma ampelografica siciliana. In Ansaldo, G. et al. (Eds.), "Identità e ricchezza del vigneto Sicilia" (pp. 61-66), Palermo: Regione Siciliana, Assessorato dell'Agricoltura, dello Sviluppo Rurale e della Pesca Mediterranea.

Progetti Periodo: 2023-2025; Progetto: Valorizzazione della viticoltura della Doc Villamagna - 3V. Ente finanziatore: Regione Abruzzo; Ruolo: Team member.

Periodo: 2023 - 2025; Progetto: SMARTBERRY (Smart Biotechnology for Sustainable Berry Cultivation). Ente finanziatore: MUR; Ruolo: Team member.

Periodo: 2023 - 2026; Progetto: Grape4vine, recycling grape wastes to protect grapevine from fungal pathogens; Ente finanziatore: Fondazione Cariplo; Ruolo: Team member.

Periodo: 2022 - 2024; Progetto: VALHALLA, Caratterizzazione morfologica, genetica e conservazione in situ del germoplasma di mandorlo e noce della Valchiavenna e dell'Oltrepò; Ente finanziatore: Regione Lombardia; Ruolo: Team member.

Periodo: 2021 - 2023; Progetto: POMALL, POMacee Antiche Locali Lombarde a rischio di estinzione; Ente finanziatore: Regione Lombardia; Ruolo: Team member.

Periodo: 2019 - 2023; Progetto: FREECLIMB, FRUIT CROPS RESILIENCE TO CLIMATE CHANGE IN THE MEDITERRANEAN BASIN; Ente finanziatore: PRIMA; Ruolo: Team member.

Periodo: 2019 - 2022; Progetto: INVINIVERTAS, INnovare la viti-VINicoltura lucana: VErso la RiGenerazione varieTALE, la Selezione di vitigni locali e proprietà antiossidanti dei vini; Ente finanziatore: Regione Basilicata; Ruolo: Team member.

Periodo: 2017 - 2018; Progetto: Genome editing e sviluppo di fungicidi a basso impatto ambientale:

una strategia sinergica per la difesa sostenibile dalla peronospora della vite; Ente finanziatore: Dipartimento di Scienze agrarie ed Ambientali; Ruolo: Team member.

Periodo: 2017 - 2018; Progetto: Valorizzazione del vitigno Bianca Fernanda per la D.O.C. Custoza; Ente finanziatore: Consorzio Tutela Vini Custoza; Ruolo: Principal Investigator.

Periodo: 2016 - 2017; Progetto: Studio della resistenza genetica e indotta in vite per lo sviluppo di strategie sostenibili di controllo dei patogeni; Ente finanziatore: Dipartimento di Scienze agrarie ed Ambientali; Ruolo: Team member.

Periodo: 2016 - 2017; Progetto: Caratterizzazione di uve rosate: completamento di uno studio genotipico e fenotipico pluriennale; Ente finanziatore: Dipartimento di Scienze agrarie ed Ambientali; Ruolo: Team member

Periodo: 2014 -2017; Progetto: YeSVitE - Yeasts for the Sustainability in Viticulture and Oenology; Ente finanziatore: Unione Europea; Ruolo: Team member

Periodo: 2014 - 2015; Progetto: ENOTRIA - Caratterizzazione e valorizzazione delle risorse genetiche della regione Calabria; Ente finanziatore: Regione Calabria; Ruolo: Team member

Periodo: 2012 - 2013; Progetto: VALVISI - Valorizzazione Della Viticoltura Siciliana; Ente finanziatore: Regione Sicilia; Ruolo: Team member

Periodo: 2011 - 2012; Progetto: VIGNETO - Valorizzazione dei principali vitigni autoctoni italiani e dei loro terroir; Ente finanziatore: MIUR; Ruolo: Team member

Periodo: 2010 - 2014; Progetto: COST Action FA1003 - East-West Collaboration for Grapevine Diversity Exploration and Mobilization of Adaptive Traits for Breeding; Ente finanziatore: Unione Europea; Ruolo: Team member

Periodo: 2009 - 2011; Progetto: ENOTRACK - Valorizzazione delle D.O.C.G. Franciacorta ed Oltrepò Pavese metodo classico mediante impiego di lieviti autoctoni per il miglioramento delle produzioni e come marcatori di tipicità, Regione Lombardia; Ente finanziatore: Regione Lombardia; Ruolo: Team member

Riconoscimenti e premi

Premio internazionale: Menzione Speciale De L'OIV 2015 per il libro dal titolo "Il Vino Nella Storia Di Venezia. Vigneti e cantine nelle terre dei Dogi tra XIII e XXI secolo" (2015).

Premio nazionale: Premio Gambinus "Giuseppe Mazzotti", Sezione "Finestra Sulle Venezie" per il libro dal titolo "Il Vino Nella Storia Di Venezia. Vigneti e cantine nelle terre dei Dogi tra XIII e XXI secolo" (2015).

Premio nazionale: Premio Antico Fattore per la pubblicazione dal titolo "Biagini B., De Lorenzis G., Imazio S., Failla O., Scienza A. 2014. Italian wild grapevine (*Vitis vinifera* L. subsp. *sylvestris*) population: insights into eco-geographical aspects and genetic structure. *Tree Genetics & Genomes*, 10:1369-1385" (2015).

Appartenenza ad associazioni

Membro dell'associazione International Society for Horticultural Science (ISHS), dal 2016.
Membro dell'associazione nazionale Società di Ortoflorofruitticoltura Italiana (SOI), dal 2010.
Membro dell'Accademia italiana della vite e del vino, dal 2024.

Dati personali

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 (Codice in materia di protezione dei dati personali) e sue successive modifiche e integrazioni, nonché del Regolamento UE 679/2016 (Regolamento Generale sulla Protezione dei dati o, più brevemente, RGPD).

01 aprile 2025